

SEQUENCE LISTING

<110> Koizumi, Makoto
 <120> Method of Detecting Genetic Polymorphism
 <130> 06189/HG
 <150> PCT/JP2004/016715
 <151> 2004-11-04
 <160> 10
 <170> PatentIn version 3.1
 <210> 1
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <220>
 <221>
 <222>
 <400> 1
 cactgggagc attgaggctc 20
 <210> 2
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <220>
 <221> allele
 <222> (20)..(20)
 <223> C is transitioned to T
 <400> 2
 cactgggagc attgaggctt 20
 <210> 3
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Mus musculus
 <220>
 <221> allele
 <222> (28)..(28)
 <223> C is transitioned to T
 <400> 3
 atctgtctac atatatatatac acacacat 28

<210> 4
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

 <400> 4
 atctgtctac atatataac acacacac 28

 <210> 5
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 5
 ggggtgaaggc tgtgaccg 18

 <210> 6
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

 <400> 6
 gtcactagac tactgcttac tgtcc 25

 <210> 7
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

 <220>
 <223> primerE

 <400> 7
 catgtctact gctacttcac atgtg 25

 <210> 8
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

 <220>
 <223> primer F

 <400> 8
 catgtctact gctacttcac atgta 25

 <210> 9
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

 <220>

<223> primer G

<400> 9

catgtctact gctacttcac atggg

25

<210> 10

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer H

<400> 10

catgtctact gctacttcac atgga

25